

Пресс-релиз: Цифровая информация о последовательностях в отношении генетических ресурсов

В последние годы технологии секвенирования ДНК стали быстрее, дешевле и точнее. Цифровая информация о последовательностях (ЦИП) в отношении генетических ресурсов используется в различных видах деятельности по сохранению и устойчивому использованию биоразнообразия, включая таксономию и мониторинг инвазивных видов. Однако остаются вопросы в отношении того, каким образом цифровая информация о последовательностях связана с доступом к генетическим ресурсам и совместным использованием выгод.

Потенциальные последствия использования ЦИП в отношении генетических ресурсов для целей Конвенции о биологическом разнообразии (КБР) и цели Нагойского протокола регулирования доступа к генетическим ресурсам и совместного использования выгод приобрели характер сквозного вопроса в 2016 году на последней Конференции ООН по биоразнообразию. С того времени секретариат КБР заказал предварительное фактологическое исследование и подготовил обобщение мнений и информации о ЦИП. Кроме того, было проведено совещание группы экспертов, на котором обсуждалась терминология и различные виды ЦИП в отношении генетических ресурсов, а также любые потенциальные последствия использования ЦИП для целей Конвенции и Нагойского протокола. Эксперты согласились с тем, что необходимо дополнительное обсуждение терминологии с целью нахождения баланса между достаточной степенью адаптируемости и динамичности терминов для отражения научных, технологических, рыночных и других изменений и в то же время их достаточной четкостью и основательностью для обеспечения юридической определенности. Наконец, хотя правительства, как правило, признают положительный вклад цифровой информации о последовательностях в отношении генетических ресурсов в сохранение и устойчивое использование биоразнообразия, остаются важные расхождения во мнениях относительно ее последствий для совместного использования на справедливой и равной основе выгод от применения генетических ресурсов.

Цифровая информация о последовательностях в отношении генетических ресурсов на Конференции ООН по биоразнообразию¹

Конференция ООН по биоразнообразию рассмотрит проекты решений о ЦИП, разработанные на 22-м совещании Вспомогательного органа по научным, техническим и технологическим консультациям, прошедшем в июле 2018 года. Эти проекты решений включают пункты, предназначенные для разъяснения понятия цифровой информации о последовательностях, ее роли в сохранении и устойчивом использовании биоразнообразия и взаимосвязей с доступом к генетическим ресурсам и совместным использованием выгод. Также они включают пункты, обуславливающие дальнейшую работу по данной проблеме до следующей Конференции ООН по биоразнообразию, которая пройдет в 2020 году, включая возможные дальнейшие исследования, представление мнений и информации, онлайн-обсуждения и создание группы экспертов или рабочей группы открытого состава. Для достижения соглашения потребуются дальнейшие переговоры в ходе Конференции ООН по биоразнообразию.

¹ 14-е совещание Конференции Сторон Конвенции о биологическом разнообразии; 9-е совещание Конференции Сторон, выступающей в качестве Совещания Сторон Картахенского протокола по биобезопасности; 3-е совещание Конференции Сторон, выступающей в качестве Совещания Сторон Нагойского протокола регулирования доступа к генетическим ресурсам и совместного использования выгод; 17-29 ноября 2018 года

Важные ссылки

- Документы совещания группы экспертов, прошедшего в феврале 2018 года, включая предварительное фактологическое исследование о цифровой информации о последовательностях, обобщение мнений и информации и доклад о работе совещания: www.cbd.int/meetings/DSI-AHTEG-2018-01
- Рекомендация, принятая 22-м совещанием Вспомогательного органа по научным, техническим и технологическим консультациям: www.cbd.int/doc/recommendations/sbstta-22/sbstta-22-rec-01-ru.pdf